

ФГБУ «ЦСП» ФМБА России



ФГБУ «НМИЦ онкологии им. Н.Н. Блохина» Минздрава России

Клинический случай: молекулярно-генетическая диагностика синдрома Линча у пациентки с первично-множественными злокачественными новообразованиями

Лисица Т.С.

Научно-практическая конференция «Клиническая диагностика и Персонализированная медицина» 16-17 ноября 2022

Цель: демонстрации фенотипической вариабельности синдрома Линча

Пациентка А., 68 лет

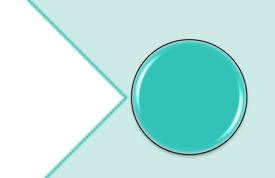
Диагноз: Первично-множественное злокачественное новообразование: 1) рак эндометрия, состояние после комбинированного лечения 2) рак левого мочеточника, состояние после нефруретерэктомии слева, рецидив от 2007, 2010 и 2011 гг., состояние после комбинированного лечения 3) синхронный рак восходящей ободочной и сигмовидной кишки, состояние после правосторонней гемиколэктомии и резекции сигмовидной кишки 4) рак двенадцатиперстной кишки, состояние после ПДР, холецистэктомии

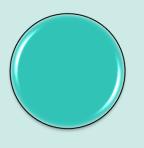
Анамнез заболевания

1990г (36 лет) – комбинированное лечение по поводу рака эндометрия

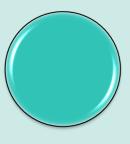
2003 год (49 лет) – макрогематурия, самостоятельно обратилась в НМИЦ онкологии, выявлена опухоль левого мочеточника

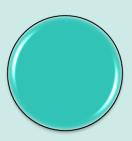
2015 год (61год) — синхронный рак восходящей ободочной и сигмовидной кишки

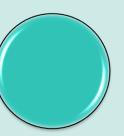








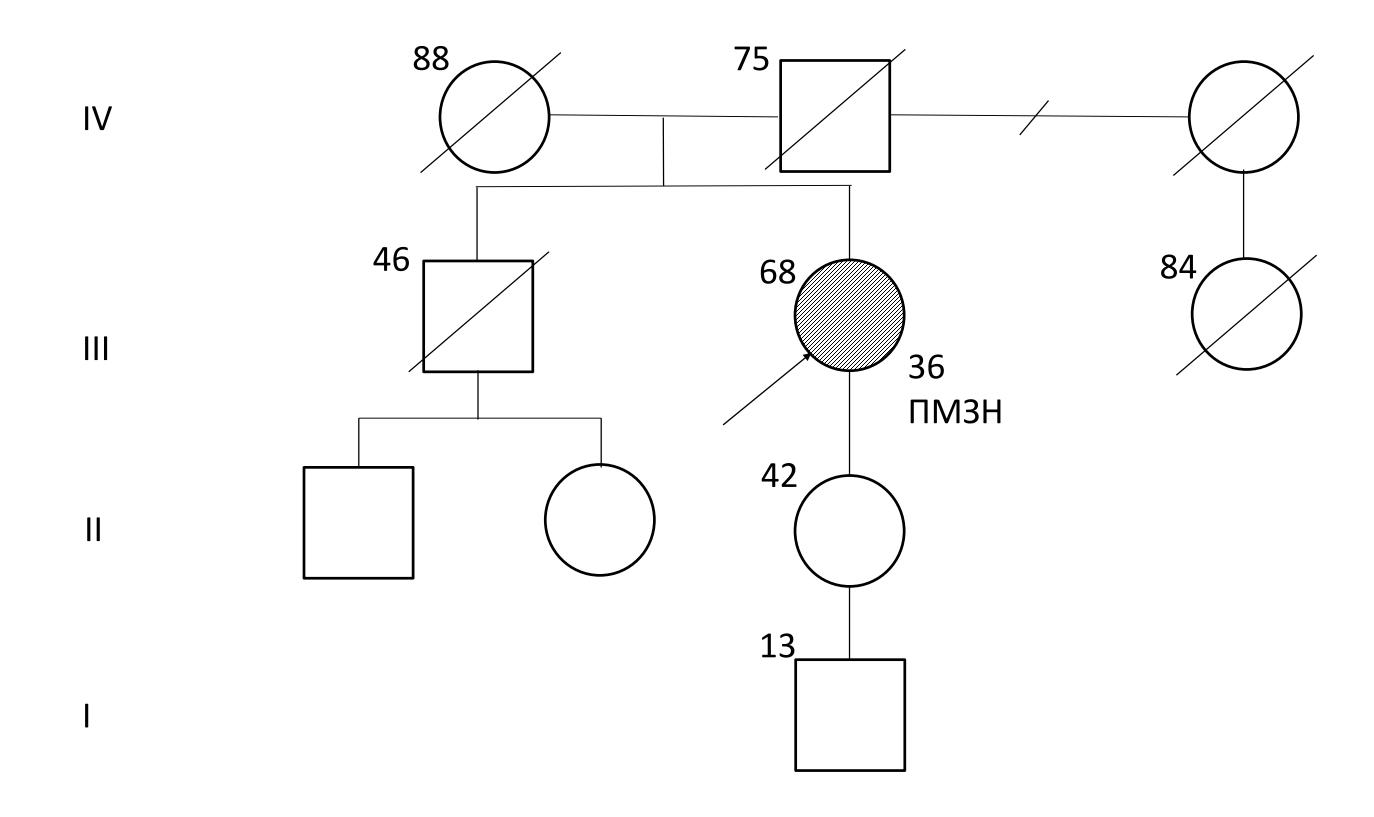




2002 год (48 лет) – операция по поводу конкремента, выявлена папиллярная опухоль мочеточника

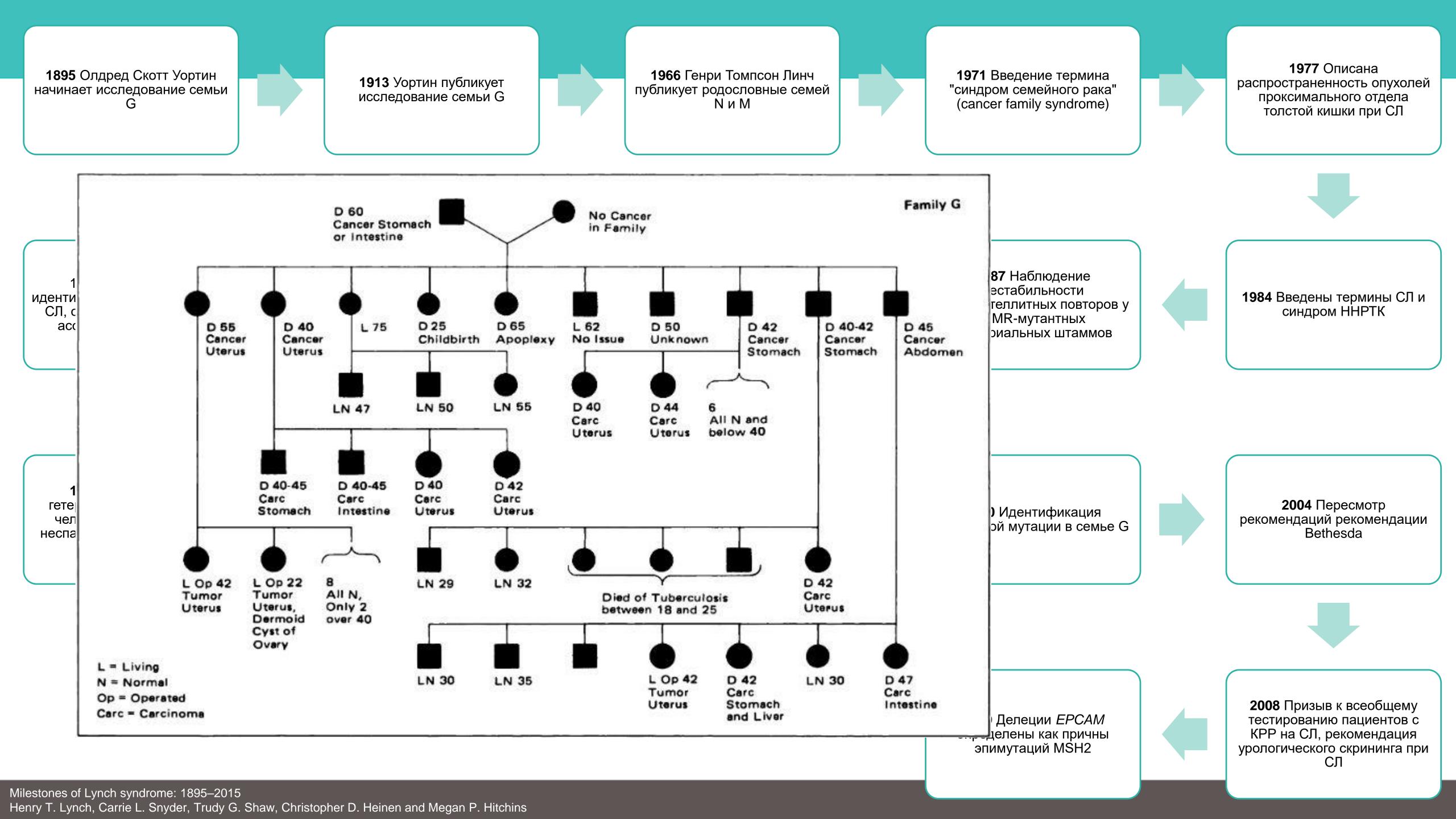
2007, 2010 и 2011 гг. – рецидив опухоли мочеточника 2022 год (68 лет) – аденокарцинома двенадцатиперстн ой кишки

Семейный анамнез



Консультация врача-генетика

Учитывая первично-множественный характер ЗНО (рак тела матки, рак мочеточника, рак восходящей ободочной и сигмовидной кишки, рак двенадцатиперстной кишки), ранний возраст манифестации и наличие микросателлитной нестабильности в опухоли двенадцатиперстной кишки, для определения дальнейшего прогноза заболевания, тактики лечения и профилактики, прогноза здоровья родственников, рекомендовано молекулярно-генетическое тестирование для подтверждения/исключения диагноза наследственного опухолевого синдрома (синдром Линча и т.д.)



Синдром Линча

наследственный опухолевый синдром с аутосомно-доминантным типом наследования, характеризующийся фенотипической и генетической гетерогенностью.

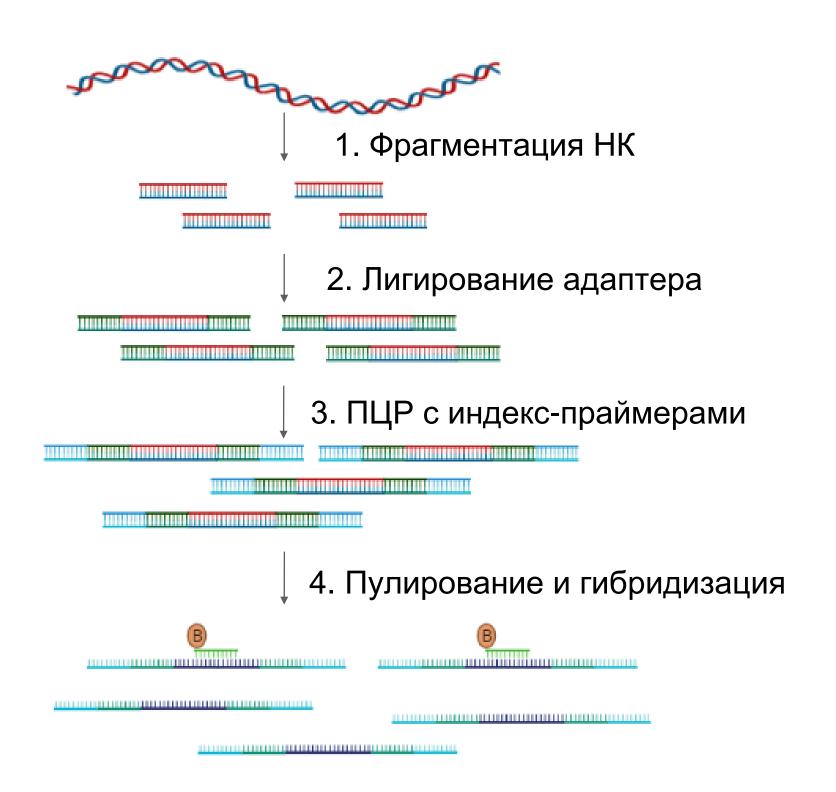
	Наследственный неп	олипозный рак толо	стой кишки		
Локус	Фенотип	Наследование	Номер фенотипа	Ген	Номер гена/локуса
2p21-p16.3	синдром Линча 1	AD	120435	MSH2	609309
3p22.2	синдром Линча 2	AD	609310	MLH1	120436
7p22.1	синдром Линча 4	AD	614337	PMS2	600259
2p16.3	синдром Линча 5	AD	614350	MSH6	600678
3p24.1	Наследственный неполипозный рак толстой кишки тип 6		614331	TGFBR2	190182
14q24.3	Наследственный неполипозный рак толстой кишки тип 7		614385	MLH3	604395
2p21	синдром Линча 8	AD	613244	<i>EPCAM</i>	185535

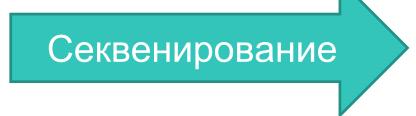
Синдром Линча

	MLF	1 1	MSH2 & L	<i>EPCAM</i>	MSI	1 6	PMS	S2	
Локализация	Ожидаемый средний возраст манифестации	Совокупный риск в возрасте до 80 лет	Ожидаемый средний возраст манифестации	Совокупный риск в возрасте до 80 лет	средний	Совокупный риск в возрасте до 80 лет	Ожидаемый средний возраст манифестации	возрасте до	Общепопуля- ционный риск
Колоректальный рак	44 года	46%-61%	44 года	33%–52%	42–69 лет	10%–44%	61–66 лет	8,7%–20%	4,20%
Рак эндометрия	49 лет	34%-54%	47–48 лет	21%–57%	53–55 лет	16%–49%	49–50 лет	13%–26%	3,10%
Рак яичников	46 лет	4%-20%	43 года	8%–38%	46 лет	≤1%–13%	51–59 лет	1,3–3%	1,30%
Рак почечной лоханки и/или мочеточника	59-60 лет	0,2%-5%	54–61 год	2,2%–28%	65–69 лет	0,7%–5,5%	Нет данных	≤1%–3,7%	Нет данных
Рак мочевого пузыря	59 лет	2%-7%	59 лет	4,4%-12,8%	71 год	1,0%-8,2%	71 год	≤1%-2,4%	2,40%
Рак желудка	52 года	5%-7%	52 года	0,2%–9,0%	2 случая в 45 лет и 81 год	≤1%–7,9%	недостаточно данных	недостаточн о данных	0,90%
Рак тонкой кишки	47 лет	0,4%-11%	48 лет	1,1%–10%	54 года	≤1%–4%	единичный случай в 59 лет	0,1%-0,3%	0,30%
Рак поджелудочной железы	Нет данных	6,20%	Нет данных	0,5%-1,6%	Нет данных	1,4%-1,6%	Нет данных	≤1%-1,6%	1,60%
Рак желчевыводящих путей	50 лет	1,9%-3,7%	57 лет	0,02%-1,7%	Нет данных	0,2%–≤1%	Нет данных	0,2%- ≤1%	0,20%
Рак предстательной железы	63 года	4,4%-13,8%	59–63 года	3,9%-23,8%	63 года	2,5%-11,6%	Нет данных	4,6%–11,6%	11,60%
Рак молочной железы у женщин				недостаточ	но данных				12,90%
3НО головного мозга	Нет данных	0,7%-1,7%	Нет данных	2,5%-7,7%	43–54 года	0,8%-1,8%	40 лет	0,6%–≤1%	0,60%

Исследование

В рамках научно-исследовательской работы по созданию национальной базы данных для диагностики наследственных форм онкологических заболеваний методами высокопроизводительного секвенирования в лаборатории разработки новых методов молекулярной диагностики заболеваний человека Центра постгеномых исследований ФГБУ «ЦСП» ФМБА России выполнено исследование панели кодирующих областей 44 генов, ассоциированных с наследственными опухолевыми синдромами, включающая гены MLH1, MSH2, MSH6, MSH3, EPCAM.





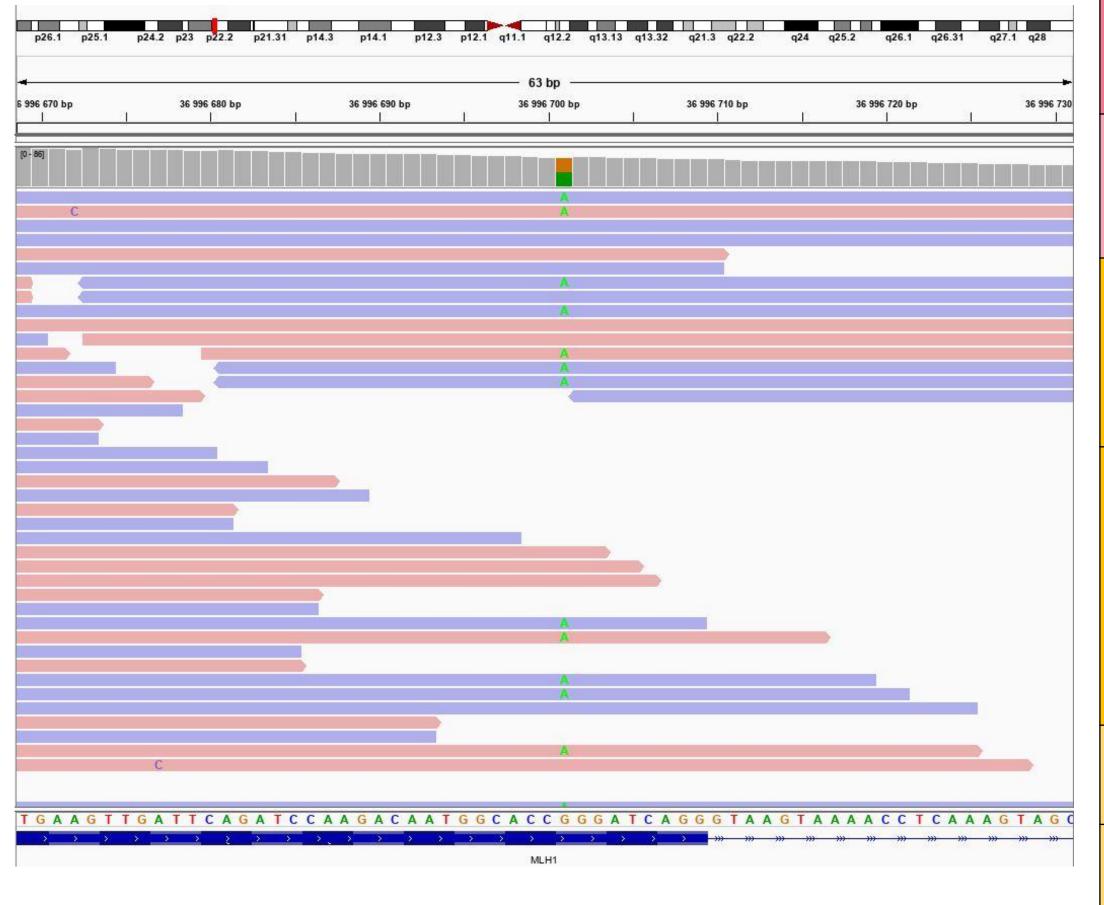


Панель генов

	APC	ATM	AXIN2	BARD1	BLM	BMPR1A	BRCA1	BRCA2	BRIP1	CDH1	CDKN2A	CHEK2	DICER1	EPCAM	GALNT12	GREM1	MEN1	MLH1	MLH3	MSH2	MSH3	MSH6	HALINW	NBN	NF1	NTHL1	PALB2	PMS2	POLD1	POLE	РТСН1	PTCH2	PTEN	RAD51C	RAD51D	RET	SMAD4	STK11	SUFU	TP53	TSC1	TSC2	VHL	WT1
РМЖ		0		0	0		0	0	0	0		0												0	0		0						0	0	0			0		0				
РЯ							0	0										0		0													0		0									
PTK	0		0												0				0																									
полипозы ЖКТ	0					0										0					0		0			0											0	0						
РЖ										0				0				0		0																								
РПЖЖ							0	0										0																				0						
РЩЖ	0												0																							0		0						
лейкоз				: 1			0 X									35 - 3	10			20		di n) (i		1				8					S. 3								8		
лимфома		0			0																																			0				
РПЖ								0		0																																		
РЭ																		0		0								0					0					0						
меланома											0																																	
зно цнс	0										0		0	\bigcirc			0	0		0		0			0														0	0	0	0		
саркома													0																															
феохромо- цитома																																				0							0	
рак кожи																																												
опухоль Вильмса																																												0
НЭО		3 - 3															0			3 - 38		- 1	2						- 1								0							
рак почки							6 8	6		8						83 - 8							9 9			9 5								ć				- 2						

Результаты

Во втором экзоне гена *MLH1* выявлена однонуклеотидная замена c.199G>A, p.Gly67Arg, rs63750206, зарегистрированная в базах данных ClinVar, InSiGHT как вариант 5 класса патогенности. Потеря функции MMR в присутствии данного варианта показана в функциональных исследованиях in vitro.

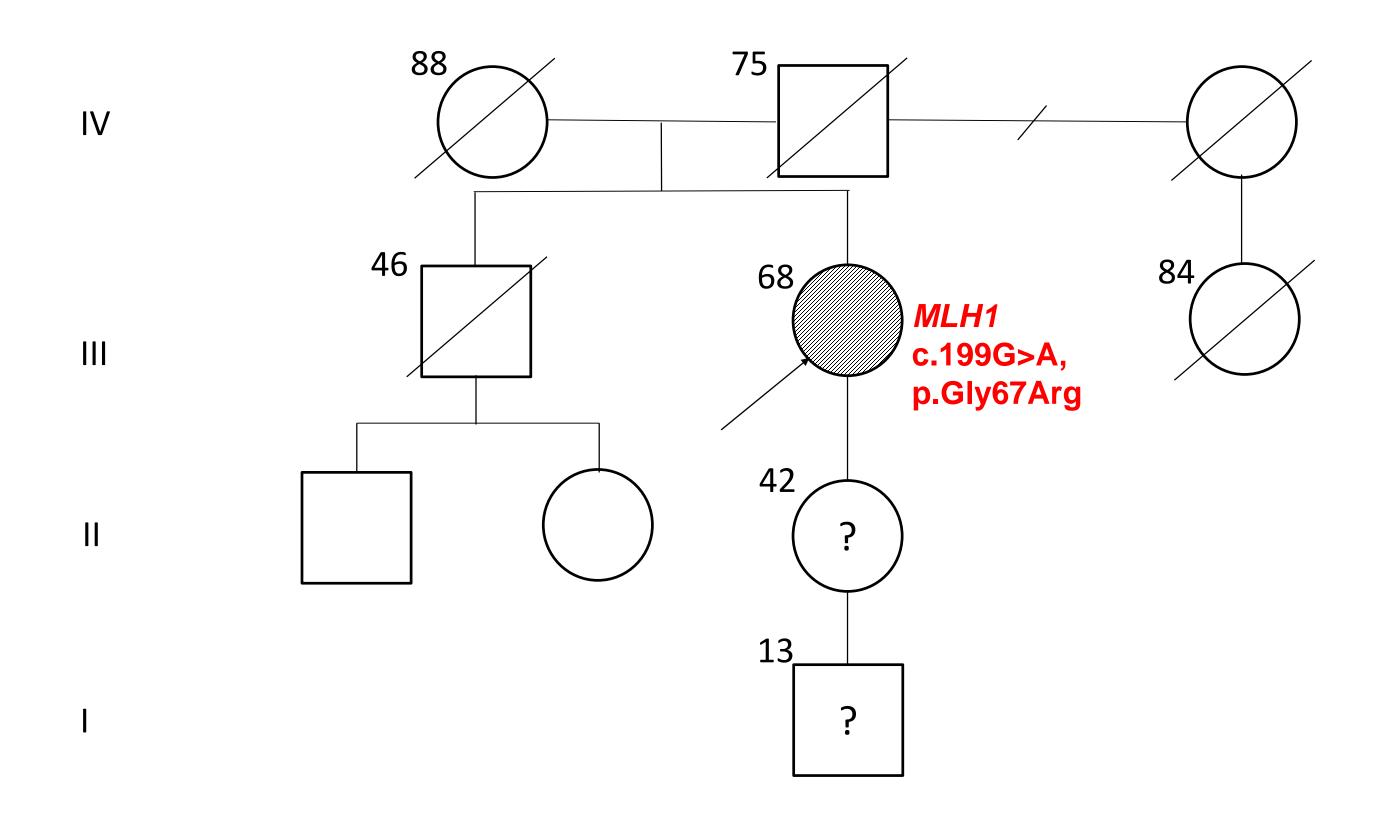


РР5 Very ClinVar классифицирует этот вариант как патогенный, 3 звезды (экспертная группа) Эквивалентный вариант chr3:36996701 G⇒C (Gly67Arg) классифицируется как патогенный согласно UniProt Variants (и подтверждается с помощью ACMG). «Горячий» регион протяженностью 17 аминокислот содержит 37 миссенс/in-frame вариантов (15 патогенных вариантов, 22 VUSи ни одного доброкачественного), что квалифицируется как патогенный (strong pathogenic). Альтернативный вариант chr3:36996702 G⇒A (Gly67Glu)
Strong (экспертная группа) Эквивалентный вариант chr3:36996701 G⇒C (Gly67Arg) PS1 классифицируется как патогенный согласно UniProt Variants (и подтверждается с помощью ACMG). «Горячий» регион протяженностью 17 аминокислот содержит 37 миссенс/in-frame вариантов (15 патогенных вариантов, 22 VUSи ни одного доброкачественного), что квалифицируется как патогенный (strong pathogenic). Aльтернативный вариант chr3:36996702 G⇒A (Gly67Glu)
Эквивалентный вариант chr3:36996701 G⇒C (Gly67Arg) классифицируется как патогенный согласно UniProt Variants (и подтверждается с помощью ACMG). «Горячий» регион протяженностью 17 аминокислот содержит 37 миссенс/in-frame вариантов (15 патогенных вариантов, 22 VUSи ни одного доброкачественного), что квалифицируется как патогенный (strong pathogenic). Альтернативный вариант chr3:36996702 G⇒A (Gly67Glu)
РS1 классифицируется как патогенный согласно UniProt Variants (и подтверждается с помощью ACMG). «Горячий» регион протяженностью 17 аминокислот содержит 37 миссенс/in-frame вариантов (15 патогенных вариантов, 22 VUSи ни одного доброкачественного), что квалифицируется как патогенный (strong pathogenic). Альтернативный вариант chr3:36996702 G⇒A (Gly67Glu)
РS1 классифицируется как патогенный согласно UniProt Variants (и подтверждается с помощью ACMG). «Горячий» регион протяженностью 17 аминокислот содержит 37 миссенс/in-frame вариантов (15 патогенных вариантов, 22 VUSи ни одного доброкачественного), что квалифицируется как патогенный (strong pathogenic). Альтернативный вариант chr3:36996702 G⇒A (Gly67Glu)
Strong подтверждается с помощью ACMG). «Горячий» регион протяженностью 17 аминокислот содержит 37 миссенс/in-frame вариантов (15 патогенных вариантов, 22 VUSи ни одного доброкачественного), что квалифицируется как патогенный (strong pathogenic). Альтернативный вариант chr3:36996702 G⇒A (Gly67Glu)
«Горячий» регион протяженностью 17 аминокислот содержит 37 миссенс/in-frame вариантов (15 патогенных вариантов, 22 VUSи ни одного доброкачественного), что квалифицируется как патогенный (strong pathogenic). Альтернативный вариант chr3:36996702 G⇒A (Gly67Glu)
миссенс/in-frame вариантов (15 патогенных вариантов, 22 VUSи ни одного доброкачественного), что квалифицируется как патогенный (strong pathogenic). Альтернативный вариант chr3:36996702 G⇒A (Gly67Glu)
PM1 одного доброкачественного), что квалифицируется как патогенный (strong pathogenic). Альтернативный вариант chr3:36996702 G⇒A (Gly67Glu)
Strong (strong pathogenic). Альтернативный вариант chr3:36996702 G⇒A (Gly67Glu)
Альтернативный вариант chr3:36996702 G⇒A (Gly67Glu)
классифицируется как патогенный согласно UniProt Variants (и
подтверждается с помощью ACMG). Альтернативный вариант
chr3:36996701 G⇒T (Gly67Trp) классифицируется как патогенный по
PM5 версии UniProt Variants (и подтверждается с помощью ACMG).
Strong Выявлено 2 патогенных альтернативных варианта.
PP3 BayesDel_addAF = 0,594 находится между 0,421 и 0,625 ⇒
Strong патогенный (strong pathogenic).
PM Вариант не обнаружен в контрольных выборках gnomAD_genome,
Supporting gnomAD_exome

MLH1: стратегии наблюдения/профилактики

- Колоректальный рак: колоноскопия каждые 1–2 года, ежедневный прием аспирина для снижения риска развития КРР с учетом всех рисков
- Рак эндометрия: -
- Рак яичников: двусторонняя сальпингоофорэктомия
- Уротелиальный рак: ежегодный анализ мочи
- Рак желудка и тонкой кишки: ЭГДС каждые 2-4 года, биопсия в том числе для оценки наличия Н.
 pylori или неинвазивное тестирование на Н. pylori
- Рак поджелудочной железы: ежегодной МРТ с контрастным усилением/магнитно-резонансной холангиопанкреатографией (МРХПГ) и/или эндоскопическое ультразвуковое исследование (ЭУЗИ)
- Рак молочной железы: нет достаточных доказательств в поддержку расширенния скрининга
- 3НО головного мозга: пациенты должны быть проинформированы о признаках и симптомах неврологического 3НО и важности быстрого сообщения об аномальных симптомах лечащему врачу

Обследование родственников



Благодарности

ФГБУ «НМИЦ онкологии им. Н.Н. Блохина» Минздрава России:

Филиппова Маргарита Геннадьевна Кудашкин Николай Евгеньевич Строганова Анна Михайловна Поспехова Наталья Ивановна

ФГБУ «НМИЦ онкологии им. Н.Н. Блохина» Минздрава России:

Шагина Анастасия Дмитриевна Хахина Анастасия Олеговна Абрамов Иван Сергеевич Шипулин Герман Александрович

Спасибо за внимание